

## التحليل الاختباري للسلالات او السلالة- كشاف أو خط - فاحص

### Line Tester Design

يستخدم هذا النوع من التصريح عندما تكون لدينا سلالات كثيرة يراد معرفة قابليتها العاملة والخاصة على الاختلاف باستخدام عدد محدود من الاباء مما يعني تقليل الجهد مقارنة بالتصاميم الأخرى كالدالييل وغيرها ووصف هذا التحليل لأول مرة من قبل Kempthorn (1957). تعكس القابلية للهجن مدى امكانية السلالات في نقل صفاتها الجيدة الى الابناء لهذا النوع من التصريح اقرب الى التصريح القمي (Top Cross) والذي يستخدم تركيب وراثي واحد ذو قاعدة وراثية واسعة بينما التصريح الاختباري يستخدم عدة تركيبات وراثية وان الغاية الاساسية هي تقييم السلالات وراثياً وباقل جهد ممكن. يمكن من خلال هذا التصريح تقدير الـ GCA والـ SCA وكذلك التأثيرات الجينية المختلفة. تمثل القابلية العامة مدى اداء الاباء في سلسلة التصريحات بينما القابلية الخاصة تمثل اداء الاباء النقي في التصريحات المحددة . كما يمكن استخدامه عندما تكون السلالات فيها عقم او self-combining ability . يمكن من خلاله تقدير المعالم الوراثية وطريقة التربية المناسبة سواء انتاج الهجن الفردية او التركيبية او طرق التربية الاخرى كـ الانتخاب. اذا كانت القابلية العامة هي السائدة ومعها التفوق فـ ان نوعه هو  $A^*A$  واذا كانت الـ SCA سائدة ومعها التفوق فـ ان نوعه يكون  $.D^*D$  و  $A^*D$  و  $A^*A$ .

اهم خصائص هذا التحليل:

- 1- ان الاباء لا تضرب مع بعضها وكذلك الامهات
- 2- يتم التحليل وفق احصائيات الدرجة الاولى والثانية
- 3- عدد الهجن تنتج من ضرب الذكور  $\times$  الاناث

#### **4-يعطي معلومات عن القابلية العامة والخاصة والتباينات الوراثية**

##### **اهم المساويء**

- 1-ان كل اب ليس لديه نفس الفرصة للتضريب في التوليفات المختلفة**
- 2-لا تتضمن هذه الطريقة امكانية تقدير التفوق مقارنة بالتضريبات الثلاثية والرباعية**

##### **اهم مميزات الفاحص او الاباء**

**1-يجب ان يكون للفاحص القابلية الكاملة في تزويد المعلومات الكاملة عن السلالات التي يتم تضريبيه بها تحت مختلف الظروف البيئية ومن اهم شروطه هي: ان يكون ذو قاعدة وراثية واسعة ذو تكيف واسع ويمتاز باداء منخفض للحاصل وبقية الصفات.**

**المواد الوراثية التي يمكن ان تستخدم كفاحص:**

##### **1-سلالات نقية**

##### **2-هجين فردي**

##### **3-اب لأحد الاصناف المستخدمة**

**تزرع التضريبات الاختبارية مع ابائها وفق احد التصاميم المختارة فإذا استخدم تصميم القطاعات العشوائية الكاملة (اي ان التراكيب تتضمن التضريبات الاختبارية مع ابائها) وبعدة مكررات ويراعى توزيع التراكيب عشوائيا على المكررات.**

**الشروط الاساسية في استخدام هذا التصميم:**

##### **1-الكائنات ثنائية المجموعة الكرموسومية**

##### **2-لا يوجد ارتباط بين الصفات**

##### **3-لا توجد متضاعفات**

##### **4-الاباء نقية**

5- غياب تاثير الام

6- لا يوجد تفوق

7- التزاوج عشوائي

التطبيق: يستخدم في تربية النبات عندما تكون السلالات او المادة الوراثية كبيرة لتقدير التباين الوراثي المتعلق بالقابلية على الانتلاف

الدقة: يمتاز بدقة عالية

الخطوات العامة للتحليل:

1- اختيار الاباء والتي قد تكون سلالات او اصناف او تراكيب وراثية نقية

2- اجراء التضريبات اللازمة وتمتاز الاباء بان تكون ذات قاعدة وراثية واسعة

3- اجراء تجربة التقييم للأباء والهجن حسب هذا التحليل

4- اجراء التحليلات الاحصائية الحيوية حسب طريقة Kempthorn (1957)

مثال: نفرض ان لدينا تجربة تضريب اختباري تتضمن 15 تركيب وراثي استخدمت منها ثلاثة تراكيب فواحد او اباء اختبارية والباقي 12 كامهات او سلالات وعدد المكررات 3 في هذه الحالة يكون جدول تحليل التباين الاحصائي والوراثي كما يلي:

عدد الهجن المطلوبة هي  $3 \times 12 = 36$  وعدد الاباء = 15 وبذلك يصبح عدد التراكيب في القطاع الواحد = عدد الهجن + عدد الاباء جمیعها =  $15 + 36 = 51$  تركيب في القطاع الواحد.

اسماء الهجن عندما نختار الاباء 1 و 2 و 3 كفواحد فان الهجن تكون:  $1 \times 4$  و  $1 \times 5$  و  $1 \times 6$  و  $1 \times 7$  و  $1 \times 8$  و  $1 \times 9$  و  $1 \times 10$  و  $1 \times 11$  و  $1 \times 12$  و  $1 \times 13$  و  $1 \times 14$  و  $1 \times 15$

وكذلك  $2 \times 4$  و  $2 \times 5$  و  $2 \times 6$  و  $2 \times 7$  و  $2 \times 8$  و  $2 \times 9$  و  $2 \times 10$  و  $2 \times 11$  و  $2 \times 12$  و  $2 \times 13$  و  $2 \times 14$  و  $2 \times 15$

وكذلك الحال بالنسبة الى  $3 \times 4$  و  $3 \times 5$  و  $3 \times 6$ .....

في جدول تحليل التباين الوراثي يمكن تجزئة مجموع مربعات الهاجن الى ثلاثة اقسام هي السلالات والفاواحص والهاجن بين السلالات والفاواحص .

ذلك يمكن تجزئة مجموع المربعات للتراكيب جميعها الى مجموع مربعات الاباء والهاجن والاباء ضد الهاجن لاعطاء فكرة مفصلة عن طبيعة التراكيب الوراثية وكما يلي:

S.O.V.	D.F.	EMS (Random)	F-Calculated
Replicates	(r-1)=2		
Genotypes	(g-1)=50		
Parents	15-1=14		
Crosses Vs. Parents	1		
Crosses	36-1=35		
Lines	12-1=11	$\delta^2 e + r\delta^2 LT + rT \delta^2 L$	
Testers	3-1=2	$\delta^2 e + r\delta^2 LT + rL \delta^2 T$	
Line*Tester	22	$\delta^2 e + r\delta^2 LT$	
Error	(g-1)(r-1)=100		
Total	(G*r)-1=152		

ملاحظة: يكون تقدير معامل التصحيف خاص لكل من: 1-التراكيب 2-الاباء و3-السلالات والفاواحص والهاجن وسيكون ذلك واضحا عند التطبيق.

يمكن تقدير التباين للسلالة والفاوحص والتدخل من خلال المعادلة التالية

$$\delta^2 LT = (ms(LT) - ms^2 e) / r , \quad \delta^2 e = mse,$$

$$\delta^2 T = (ms(T) - ms^2 L * T) / Lr ,$$

$$\delta^2 L = (ms(L) - ms^2 LT) / Tr ,$$

$\delta^2 L = \delta^2 gca = ((1+F)/4) \delta^2 A$  , F=inbreeding depression=1 in Selfing and= 0 in Cross pollinated Crops

$$\delta^2 T = \delta^2 gca = ((1+F)/4) \delta^2 A$$

$$\delta^2 LT = \delta^2 Sca = ((1+F)^2/4) \delta^2 D$$

$$\delta^2 gca = \text{Cov H.S.(average)} = ((1/r(2LT-L-T))^* ((SSL+SST)/(RLT-2) - MSLT)$$

$$GCA \text{ FOR Lines effects} = G_i = Y_{..i} - Y_{..}$$

$$GCA \text{ for Tester} = G_j = Y_{..j} - Y_{...}$$

$$SCA\text{-effects} = S_{ij} = Y_{ij} - Y_{..i} - Y_{..j} + Y_{...}$$

**ملاحظة مهمة :** يجب ان يكون مجموع التأثيرات لكل مصدر يساوي صفر اي  $\sum g_i = 0$

اما الاخطاء القياسية للتأثيرات المختلفة فهي كما يلي:

$$SE(GCA\text{-Lines}) = \sqrt{mse/rT}$$

$$SE(GCA\text{-Testers}) = \sqrt{mse/rL}$$

$$SE(SCA) = \sqrt{mser}$$

$$SE(g_i-g_j) \text{ Line} = \sqrt{s^*mes/rt}$$

هذه للمقارنة بين الامهات

$$SE(g_i-g_j) \text{ Tester} = \sqrt{2*mse/rL}$$

لمعرفة الاختلافات بين الفواحص او بين اب واخر

$$SE(S.J-Skl) = \sqrt{2*mse/r}$$

لمعرفة الاختلافات بين الهرجن فقط

س/ ما فائدة كون ال gca مرتفعة او عندما تكون ال sca معنوية ومرتفعة؟ وماذا يعني التباين  
بين العوائل نصف الشقيقة والعوائل الشقيقة

## واجب عملي تطبيقي:

البيانات التالية تمثل الحاصل للباء والهجن وفق طريقة التضريب الاختباري او سلالة فاحص

المطلوب اجرى التحليل الكامل وقدر مكونات البيانات الوراثية ونسبة التوريث والتحسين  
الوراثي المتوقع ومعدل درجة السيادة. وما هي طريقة التربية المناسبة؟

Genotypes	R1	R2	R3
1*4	64.4	60.8	50.9
1*5	81.8	89.1	108.8
1*6	38.0	52.1	48.5
1*7	49.0	55.6	71.6
1*8	74.1	99.7	92.1
1*9	86.9	81.4	69.8
1*10	99.8	88.1	83.2
1*11	107.2	90.2	106.1
1*12	99.6	106.4	113.9
1*13	93.1	99.6	80.9
1*14	43.4	50.8	64.4
1*15	43.8	38.3	30.6
2*4	88.4	63.1	79.1
2*5	71.3	62.8	79.8
2*6	76.6	84.1	80.3
2*7	82.2	73.8	74.2
2*8	60.8	71.0	62.3
2*9	40.2	42.8	50.0
2*10	94.8	74.3	66.9
2*11	78.0	96.5	79.8
2*12	67.9	61.3	67.5
2*13	70.8	96.5	73.2
2*14	49.9	42.4	42.9
2*15	86.4	88.8	89.1
3*4	21.4	89.6	73.2
3*5	74.40	70.86	60.94

<b>3*6</b>	<b>91.82</b>	<b>99.18</b>	<b>118.88</b>
<b>3*7</b>	<b>48.08</b>	<b>62.10</b>	<b>58.54</b>
<b>3*8</b>	<b>59.06</b>	<b>65.62</b>	<b>81.62</b>
<b>3*9</b>	<b>84.16</b>	<b>109.74</b>	<b>102.14</b>
<b>3*10</b>	<b>96.92</b>	<b>91.44</b>	<b>79.86</b>
<b>3*11</b>	<b>109.86</b>	<b>98.16</b>	<b>93.26</b>
<b>3*12</b>	<b>117.20</b>	<b>100.28</b>	<b>116.16</b>
<b>3*13</b>	<b>109.68</b>	<b>116.48</b>	<b>123.92</b>
<b>3*14</b>	<b>103.14</b>	<b>109.66</b>	<b>90.98</b>
<b>3*15</b>	<b>53.4</b>	<b>60.86</b>	<b>74.46</b>
<b>1</b>	<b>53.86</b>	<b>48.30</b>	<b>40.64</b>
<b>2</b>	<b>98.46</b>	<b>73.10</b>	<b>89.18</b>
<b>3</b>	<b>81.36</b>	<b>72.82</b>	<b>89.82</b>
<b>4</b>	<b>86.62</b>	<b>94.18</b>	<b>90.32</b>
<b>5</b>	<b>104.86</b>	<b>84.32</b>	<b>76.92</b>
<b>6</b>	<b>88.02</b>	<b>106.54</b>	<b>89.82</b>
<b>7</b>	<b>77.94</b>	<b>71.34</b>	<b>77.52</b>
<b>8</b>	<b>80.82</b>	<b>106.52</b>	<b>83.28</b>
<b>9</b>	<b>59.96</b>	<b>52.48</b>	<b>52.98</b>
<b>10</b>	<b>96.44</b>	<b>98.82</b>	<b>99.14</b>
<b>11</b>	<b>91.44</b>	<b>99.66</b>	<b>83.28</b>
<b>12</b>	<b>91.78</b>	<b>84.82</b>	<b>69.92</b>
<b>13</b>	<b>68.00</b>	<b>86.76</b>	<b>40.19</b>
<b>14</b>	<b>68.120</b>	<b>74.38</b>	<b>69.08</b>
<b>15</b>	<b>41.84</b>	<b>75.86</b>	<b>44.62</b>